



---

INSTITUT FÜR ANGEWANDTE LABORANALYSEN GMBH

# QuickGEN PCR Kit

## P1 Screening

Real-time PCR Nachweis bierschädlicher Bakterien und Hefen

real-time PCR detection of beer spoilage bacteria and yeast

**REF: Q025**

Version 01/20

GEN-IAL GmbH  
Tel: 0049 2241 2522980  
Fax:0049 2241 2522989  
info@gen-ial.de  
www.gen-ial.de

# QuickGEN PCR Kit

## P1 Screening

### 1. Beispiele erfolgreich nachgewiesener Mikroorganismen

#### **Bakterien**

- *Lactobacillus* spp.
  - L. acetotolerans*
  - L. acidophilus*
  - L. amylolyticus*
  - L. amylovorus*
  - L. backii*
  - L. brevis*
  - L. brevisimilis*
  - L. buchneri*
  - L. casei* / *paracasei*
  - L. collinoides* / *paracollinoides*
  - L. coryniformis* ssp. *coryniformis*
  - L. coryniformis* ssp. *torquens*
  - L. curvatus*
  - L. delbrückii* ssp. *delbrückii*/ *lactis*
  - L. harbinensis*
  - L. helveticus*
  - L. johnsonii*
  - L. lindneri*
  - L. malefermentans*
  - L. parabrevis*
  - L. parabuchneri* (*frigidus*)
  - L. paucivorans*
  - L. pentosus*
  - L. perolens*
  - L. plantarum*
  - L. paraplanarium*
  - L. rossiae*
- *Lactococcus lactis*
- *Megasphaera* spp.
  
- *Micrococcus kristinae*
- *Pectinatus* spp.
  - Pectinatus cerevisiophilus*
  - Pectinatus frisingensis*
  - Pectinatus haikarae*
  - Pectinatus* ssp.
- *Pediococcus* spp.
  - Pediococcus acidilactici*
  - Pediococcus damnosus*
  - Pediococcus dextrinicus*
  - Pediococcus inopinatus*
  - Pediococcus pentosaceus*
  - Pediococcus parvulus*
  - Pediococcus claussenii*

#### **Hefen**

- *Saccharomyces* spp.
  - z.B. *S. cerevisiae* var. *diastaticus*,  
*S. bayanus*
  - S. pastorianus* *S. uvarum*
  - S. exiguus*, *S. ellipsoides*
  
  - S. fermentum*, *S. delbrückii*
  - S. kluyveri*, *S. cerevisiae*
- *Brettanomyces* spp. (Dekkera)
  - z.B. *B. anomala*, *B. custersiana*
  - B. bruxellensis*
- *Zygosaccharomyces*
  - z.B. *Z. bailii*, *Z. rouxii*
- *Rhodotorula* spp.
  
- *Torulaspora* spp.
  
- *Kluyveromyces* spp.
  - z.B. *K. marxianus*, *K. polysporus*,
  
  - K. thermotolerans*
- *Debaromyces* spp.
  - z.B. *D. hansenii*
- *Candida* spp.
  - z.B. *C. albicans*, *C. parapsilosis*
- *Hanseniaspora* spp.
  - z.B. *H. guillermondii*
- *Pichia* spp.
  - z.B. *Wickerhamomyces anomalus*,
  - P. holstii*,
  - P. membranaefaciens*

## 2. Verwendungszweck

Nachweis von bakteriellen und Hefe Kontaminationen in filtrierten Bier- und Biermischgetränken. Für stark hefehaltige Produkte sollte zum Nachweis bakterieller Kontaminationen das Screening Kit ohne Hefenachweis (Q035) eingesetzt werden.

## 3. Testprinzip

Die Detektion erfolgt mittels Fluoreszenzmessung durch das Hydrolysesondenformat (TaqMan®). Durch hot-start-PCR plus doppelt markierten sequenzspezifischen Sonden (FAM/DQ; HEX/DQ; ROX/DQ) wird bei korrekter Hybridisierung an die Zielsequenz in der Extensions-Phase ein messbares Fluoreszenzsignal definierter Wellenlänge emittiert. Eine Inhibitionskontrolle (CY5/DQ) wird zusammen mit der spezifischen Sequenz in einem Reaktionsgefäß amplifiziert, um falsch negative Ergebnisse durch Inhibition auszuschließen. Die PCR-Systeme enthalten dUTP, welches bei der Elongation zum Teil das dTTP ersetzt. Die Verwendung von Uracil-N-Glycosylase (UNG) eliminiert alle dUMP enthaltenden Amplikons, die aus eventuellen Kontaminationen früherer PCRs stammen könnten. Das UNG Enzym ist in diesem Kit nicht enthalten.

## 4. Packungsinhalt

Mit den Reagenzien können 50 Bestimmungen durchgeführt werden:

1 x Premix	weißer Deckel
1 x Dye Mix (lyophilisiert, inkl. IC-DNA)	dunkles Gefäß, roter Deckel
1 x ddH <sub>2</sub> O	farbloser Deckel
1 x Control-DNA (lyophilisiert)	gelber Deckel

## 5. Lagerung

**Der Dye Mix und die Control-DNA werden lyophilisiert geliefert und müssen vor Gebrauch in ddH<sub>2</sub>O gelöst werden (siehe Punkt 6.1).**

Den lyophilisierten Dye Mix und die lyophilisierte Control-DNA nicht einfrieren. Die PCR-Reagenzien bei 2 – 8 °C, den Premix nach Anbruch bei -20 °C lagern. Wiederholtes Auftauen und Einfrieren (> 3x) sollte vermieden werden, da dadurch die Sensitivität verringert wird. Bei unregelmäßigem Gebrauch sollte deshalb der Premix aliquotiert werden.

Der Dye Mix (roter Verschluss) enthält die fluoreszenzmarkierten Sonden und ist lichtempfindlich. Aus diesem Grund sollte er nicht unnötigem Lichteinfall ausgesetzt werden.

Alle Reagenzien sind bei korrekter Lagerung 12 Monate haltbar.

## 6. Zusätzlich erforderliches Material

### 6.1. Geräte:

Real-time Gerät mit den Kanälen FAM, HEX, ROX und CY5

Zentrifuge passend für 1,5 – 2,0 mL Reaktionsgefäße

Zentrifuge für PCR-Platten oder Strips

Pipetten

„Vortex“

### 6.2. Reagenzien und Verbrauchsmaterialien:

steriles, doppelt-destilliertes oder deionisiertes Wasser (ddH<sub>2</sub>O)

sterile Reaktionsgefäße 1,5 – 2,0 mL

PCR-Platten / Strips incl. Folien / Deckel

passende, sterile Filterspitzen (Filtertips)

**optional:** Uracil N-Glycosylase (0,01 U/μL PCR-Reaktion)

Colour Compensation Set für LC480 (GEN-IAL<sup>®</sup>, REF: Q800)

**LC480: Colour Compensation vor der ersten Benutzung des Kits durchführen**

## 7. PCR

### 7.1. PCR-Ansatz

*Vor der ersten Benutzung müssen alle lyophilisierten Komponenten kurz zentrifugiert und in ddH<sub>2</sub>O gelöst werden:*

- den lyophilisierten Dye Mix in 80 µL ddH<sub>2</sub>O aufnehmen
- die lyophilisierte Control-DNA in 55 µL ddH<sub>2</sub>O aufnehmen
- 15 Minuten lösen

**Alle PCR-Komponenten vor Gebrauch gut mischen und kurz abzentrifugieren.**

PCR-Ansatz pro Probe:

PCR-Komponenten	Menge (µL)
Premix	13,5
Dye Mix	1,5
Proben-DNA	5,0*
Gesamtvolumen	<b>20,0</b>

\* bei Verwendung des Simplex Easy DNA- oder QuickGEN Yeast Sample Preparation Kits: 2,5 µL DNA einsetzen und 2,5 µL steriles ddH<sub>2</sub>O hinzufügen

1. Den Mastermix aus Premix und Dye Mix herstellen.
2. Multipliziere die oben angegebenen Volumina mit der Anzahl PCR-Reaktionsansätze, inklusive aller Kontrollen (Positivkontrolle, Negativkontrolle, Extraktionskontrolle), unter Berücksichtigung einer Pipettierreserve von ca. 5-10 % .
3. Je 15 µL Mastermix in die einzelnen PCR-Reaktionsgefäße füllen.
4. 5 µL Proben-DNA zu den vorbereiteten PCR Gefäßen geben, für die PCR-Positivkontrolle 5 µL Control-DNA, für die Extraktionskontrolle 5 µL und für die PCR-Negativkontrolle\* 5 µL steriles ddH<sub>2</sub>O pipettieren (Pipettenspitzen unbedingt nach jeder Probe wechseln).
5. Die PCR-Reaktionsgefäße sofort verschließen und kurz zentrifugieren.
6. Die PCR-Gefäße ins PCR-Gerät stellen und den Lauf starten.

**Sehr wichtig: \* Die PCR-Negativkontrolle bitte auf jeden Fall mit 5 µL ddH<sub>2</sub>O auffüllen, um unspezifische Amplifikationen zu verhindern.**

**Zügig arbeiten, Lichteinfall und Erwärmung der Ansätze vermeiden.**

## 7.2 PCR-Programm

### 7.2.1 Programmierung und PCR-Programm LC480

1. Im Fenster **LightCycler 480 Software release 1.5.0. SP1** das Werkzeugsymbol: Schraubenschlüssel in der rechten Leiste anklicken
2. Auf der linken Seite den Button **Detection formats** anklicken
3. Im Fenster **Detection formats New** anklicken und dem Experiment einen Namen geben
4. Im Fenster **Filter Combination Selection** die folgenden Filterkombinationen ankreuzen 465-510 / 533-580 / 533-610 / 618-660
5. Im Fenster **Selected Filter Combination** List folgende Werte eingeben:

Excitation Filter	Emission Filter	Name	Melt factor	Quant fact	Max. Integ. Time
465	510	465-510 FAM	1	10	2
533	580	533-580 HEX	1	10	2
533	610	533-610 610	1	10	2
618	660	618-660 660	1	10	2

6. Schließen des Fensters durch Anklicken des Buttons **Close**
7. Auf der rechten Seite Button **New Experiment** anklicken
8. Aus dem pull-down Menü der Leiste **Detection formats** das entsprechende Experiment auswählen, den Button **Customize** anklicken und die Detektionsformate überprüfen. Alle müssen aktiviert sein.
9. Klicken des **OK** buttons
10. Folgendes Programm schreiben:

1. Programm Name: **Heat**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
37	None	00:15:00	4.40		0	0	0
95	None	00:15:00	4.40		0	0	0

2. Programm Name: **Ampli**

Cycles **30\*- 35** Analysis Mode **Quantification**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
95	None	00:00:10	4.40		0	0	0
60	Single	00:00:20	2.20		0	0	0

\* für vorangereicherte Proben 30 Zyklen programmieren

3. Programm Name : **Cool**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
40	None	00:00:20	2.20		0	0	0

**Optional:** Einspeichern des Programms als **run template:**

Unten links den Haken neben dem Button **Apply Template** anklicken und **Save as template** abspeichern, Lauf in den **template Ordner** speichern

Für spätere Wiederholungen steht das Programm nun im **New Experiment from template** zur Verfügung.

11. Links den Button **Subset editor** anklicken

12. Den Button **+** anklicken und **New Subset 1** erscheint

13. Mit der Strg Taste die entsprechenden wells im **New Subset 1 Settings** Fenster anklicken

14. Den Button **Apply** anklicken

15. In der linken Leiste den Button **Sample editor** anklicken

16. **Ganz wichtig:** Oben in der Leiste **Step 1 Select Workflow: Abs.Quant** ankreuzen

17. In der Leiste **Step 2 Select Samples** das Subset **New Subset** auswählen

18. Proben in der Tabelle eingeben

19. In der linken Leiste den Button **Experiment** anklicken und mit **Start run** den Lauf starten

## 7.2.2 PCR-Programm für andere real-time Geräte

Im Premix befindet sich kein ROX. Dies muss teilweise bei der Einstellung der gerätespezifischen Software vor dem Lauf berücksichtigt werden. **ABI 7500:** Unter "Assign Targets and Samples" in `Select the dye to use as the passive reference` „none“ auswählen.

**Mx3500P:** Unter Instrument in `Filter Set Gain Settings` folgende Filter set gain multipliiert einstellen: CY5 x1; ROX x1, HEX x4 und FAM x8.

Für die Verwendung von UNG müssen die Programme entsprechend der Herstellerangaben geändert werden.

Step	Time	Temp.	
Lyticase treatment	15 min	37 °C	
Initial denaturation	15 min	95 °C	
Denaturation	10 sec	95 °C	Cycle 30 <sup>1</sup> -35 x
Annealing/ Elongation	20 - 30 sec <sup>2</sup>	60 °C	

<sup>1</sup> für vorangereicherte Proben 30 Zyklen programmieren

<sup>2</sup> wenn das PCR-Gerät eine Programmierung von 20 sec zulässt, dann bitte diese Zeit einstellen



## 8. Auswertung

Die Auswertung wird entsprechend der für das real-time PCR-Gerät verwendeten Software durchgeführt (siehe Herstellerangaben).

Für LC480: Vor der Auswertung Colour Compensation aktivieren

***Lactobacillus/ Pediococcus*-DNA:** FAM-Kanal (LC480: 465-510 nm)

***Megasphaera/ Pectinatus*-DNA:** ROX-Kanal (LC480: 533-610 nm)

**Hefe-DNA:** HEX-Kanal (LC480: 533-580 nm)

**Inhibitionskontroll-DNA:** CY5-Kanal (LC480: 618-660 nm)

Eine Probe wird als ***Lactobacillen/ Pediococcen* positiv** bewertet, wenn der Ansatz der Probe im **FAM-Kanal (465-510 nm)** positiv ist und die Negativkontrollen negativ sind. Die Positivkontrollen müssen positiv sein. Die Inhibitionskontrolle im CY5-Kanal (618-660 nm) kann im Probenansatz positiv oder negativ sein, abhängig von DNA-Menge oder inhibitorischen Komponenten im Reaktionsansatz. In den Negativkontrollen muss sie positiv sein.

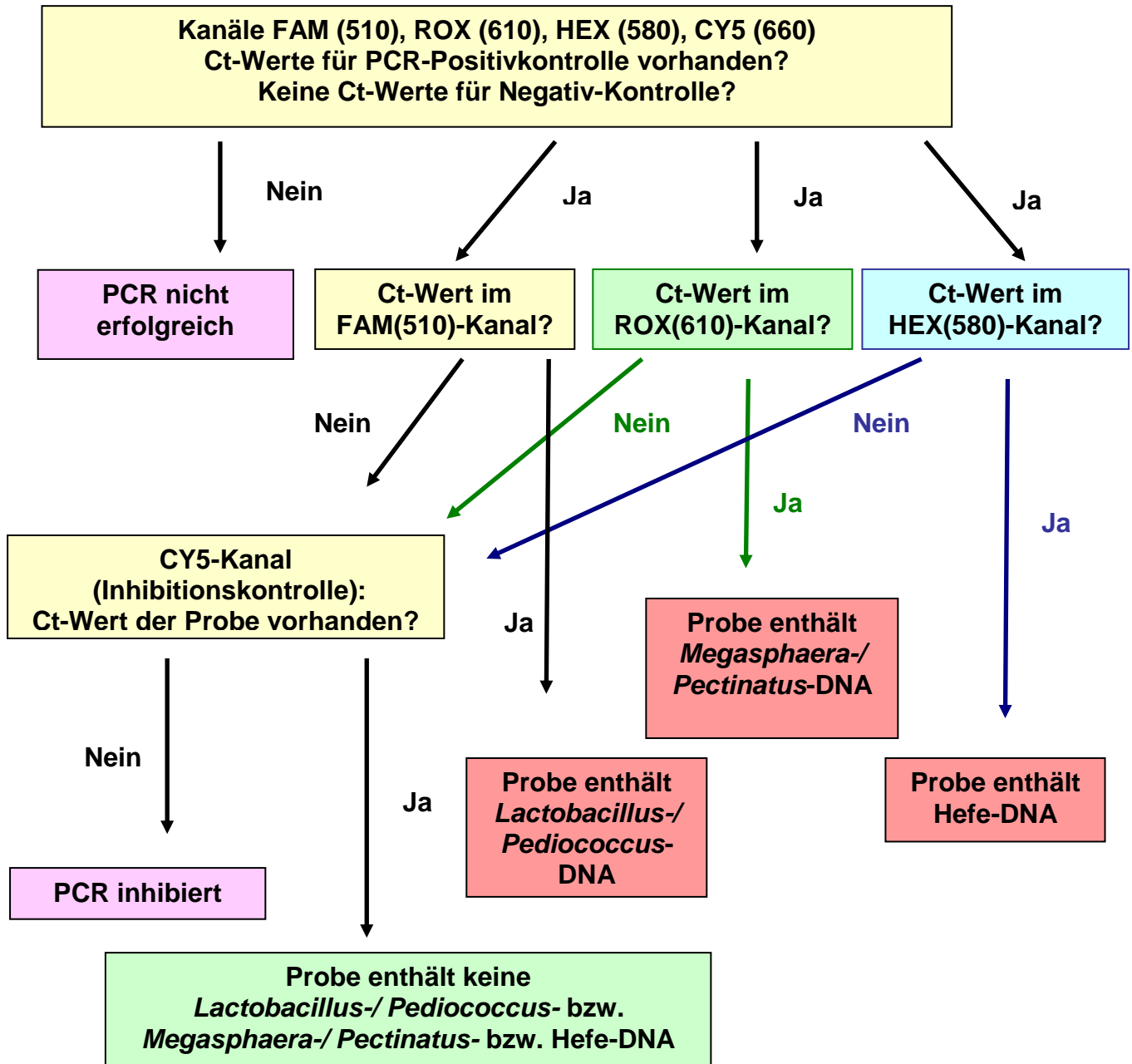
Eine Probe wird als ***Megasphaera/ Pectinatus* positiv** bewertet, wenn der Ansatz der Probe im **ROX-Kanal (533-610 nm)** positiv ist und die Negativkontrollen negativ sind. Die Positivkontrollen müssen positiv sein. Die Inhibitionskontrolle im CY5-Kanal (618-660 nm) kann im Probenansatz positiv oder negativ sein, abhängig von der DNA-Menge oder inhibitorischen Komponenten im Reaktionsansatz. In den Negativkontrollen muss sie positiv sein.

Eine Probe wird als **Hefe positiv** bewertet, wenn der Ansatz der Probe im **HEX-Kanal (533-580 nm)** positiv ist und die Negativkontrollen negativ sind. Die Positivkontrollen müssen positiv sein. Die Inhibitionskontrolle im CY5-Kanal (618-660 nm) kann im Probenansatz positiv oder negativ sein, abhängig von der DNA-Menge oder inhibitorischen Komponenten im Reaktionsansatz. In den Negativkontrollen muss sie positiv sein.

Eine Probe wird als **negativ** bewertet, wenn keine detektierbare Fluoreszenz in den verschiedenen Kanälen vorliegt und die Positivkontrollen eindeutig positiv sind. Die Negativkontrollen sind eindeutig negativ. Zum Ausschluss falsch negativer Ergebnisse durch inhibitorische Einflüsse muss die Inhibitionskontrolle in der Probe und in den Negativkontrollen positiv sein.

# Analysediagramm

LC480: Auswertung nach ausgewählter Colour Compensation



Diese Angaben entsprechen dem heutigen Stand unserer Kenntnisse und sollen über unsere Produkte und deren Anwendungsmöglichkeiten informieren. Sie haben nicht die Bedeutung, bestimmte Eigenschaften der Produkte oder deren Eignung für einen konkreten Einsatzzweck zuzusichern. GEN-IAL übernimmt keine Gewährleistung, außer für die standardisierte Qualität der Reagenzien. Defekte Produkte werden ersetzt. Darüber hinaus gehende Ansprüche für direkte oder indirekte Schäden oder Kosten aus der Nutzung der Produkte entstehen nicht.

Rechtlicher Hinweis: Die Polymerase-Kettenreaktion (PCR) ist patentrechtlich geschützt und somit lizenzpflichtig. Sie ist im Besitz der Hoffman-La Roche Inc. Diese Produktinformation versteht sich nicht als Autorisierung oder Lizenzierung, die PCR-Methode kommerziell anzuwenden.

# QuickGEN PCR Kit

## P1 Screening

### 1. Examples of successful detected microorganisms

#### **Bacteria**

- *Lactobacillus* spp.
  - L. acetotolerans*
  - L. acidophilus*
  - L. amylolyticus*
  - L. amylovorus*
  - L. backii*
  - L. brevis*
  - L. brevisimilis*
  - L. buchneri*
  - L. casei* / *paracasei*
  - L. collinoides* / *paracollinoides*
  - L. coryniformis* ssp. *coryniformis*
  - L. coryniformis* ssp. *torquens*
  - L. curvatus*
  - L. delbrückii* ssp. *delbrückii*/ *lactis*
  - L. harbinensis*
  - L. helveticus*
  - L. johnsonii*
  - L. lindneri*
  - L. malefermentans*
  - L. parabrevis*
  - L. parabuchneri* (*frigidus*)
  - L. paucivorans*
  - L. pentosus*
  - L. perolens*
  - L. plantarum*
  - L. paraplantarum*
  - L. rossiae*
- *Lactococcus lactis*
- *Megasphaera* spp.
  
- *Micrococcus kristinae*
- *Pectinatus* spp.
  - Pectinatus cerevisiiphilus*
  - Pectinatus frisingensis*
  - Pectinatus haikarae*
  - Pectinatus* ssp.
- *Pediococcus* spp.
  - Pediococcus acidilactici*
  - Pediococcus damnosus*
  - Pediococcus dextrinicus*
  - Pediococcus inopinatus*
  - Pediococcus pentosaceus*
  - Pediococcus parvulus*
  - Pediococcus claussenii*

#### **Yeast**

- *Saccharomyces* spp.
  - z.B. *S. cerevisiae* var. *diastaticus*,
  - S. bayanus*
  - S. pastorianus* *S. uvarum*
  - S. exiguus*, *S. ellipsoides*
  
  - S. fermentum*, *S. delbrückii*
  - S. kluyveri*, *S. cerevisiae*
- *Brettanomyces* spp. (Dekkera)
  - z.B. *B. anomala*, *B. custersiana*
  - B. bruxellensis*
- *Zygosaccharomyces*
  - z.B. *Z. bailii*, *Z. rouxii*
- *Rhodotorula* spp.
  
- *Torulaspora* spp.
  
- *Kluyveromyces* ssp.
  - z.B. *K. marxianus*, *K. polysporus*,
  
  - K. thermotolerans*
- *Debaromyces* spp.
  - z.B. *D. hansenii*
- *Candida* spp.
  - z.B. *C. albicans*, *C. parapsilosis*
- *Hanseniaspora* spp.
  - z.B. *H. guillermondii*
- *Pichia* spp.
  - z.B. *Wickerhamomyces anomalus*,
  - P. holstii*
  - P. membranaefaciens*

## 2. Intended use

Qualitative detection of bacterial and yeast contaminations in filtrated beer and beer mixes. For products with high amount of yeast use the Screening Kit without yeast detection to find bacterial contaminations more sensitive (Q035).

## 3. Test principle

The TaqMan<sup>®</sup> real-time PCR is based on hot-start-PCR and sequence-specific dual labelled probes (FAM/DQ; HEX/DQ; ROX/DQ) which, when accurately hybridised, emit a measurable fluorescent signal of a defined wavelength in the extension phase. The increase of signal is continuously measured in a real-time PCR detection instrument. To avoid false negative PCR-results an Inhibition Control (CY5/DQ) is amplified together in one reaction vessel with the specific sequence. The system contains dUTP. Optional: the use of Uracil-N-Glycosylase will eliminate any contamination with Uracil containing amplicons from former PCRs (the enzyme is not part of this kit).

## 4. Kit contents

The kit contains sufficient reagents for 50 PCR reactions:

1 x Premix	white cap
1 x Dye Mix (freeze-dried, incl. IC-DNA)	dark vial, red cap
1 x ddH <sub>2</sub> O	colourless cap
1 x Control-DNA (freeze-dried)	yellow cap

## 5. Storage conditions

**The Dye Mix and the Control-DNA are freeze-dried, they have to be solved in ddH<sub>2</sub>O prior to use (see 7.1).**

Do **not** freeze the lyophilized Dye Mix and lyophilized Control-DNA.

The PCR reagents should be stored at 2 – 8 °C (35 – 46 °F).

Keep Premix for storage at - 20 °C (- 4 °F) after opening. Avoid loss of sensitivity by repeating freezing and thawing more than 3 times. For irregular use aliquot the Premix.

The Dye Mix contains the fluorescent labelled probes and should be handled light protected. All reagents are stable for 12 months, if they are stored correctly.

## **6. Materials required but not provided**

### **6.1. Instruments:**

Real-time PCR instrument with channels FAM, HEX, ROX and CY5

Centrifuge for 1.5 – 2.0 mL reaction tubes

Centrifuge for multiwell plates or stripes

Pipettes

“Vortex”

### **6.2. Reagents and plastic ware:**

sterile ddH<sub>2</sub>O

sterile reaction vessels 1.5 – 2.0 mL

sterile plates or optical tubes (plastic)

sterile filter tips

**optional:** Uracil N-Glycosylase (0.01 U/μL added to the PCR reaction mix)

Colour Compensation Set for LC480 (GEN-IAL<sup>®</sup>, REF: Q800)

**LC480: Use a Colour compensation prior to first use of the kit**

## 7. PCR

### 7.1. PCR-Setup

*When using the kit for the first time, the freeze-dried kit components have to be shortly centrifuged and carefully resolved:*

- add 80  $\mu\text{L}$  sterile ddH<sub>2</sub>O to freeze-dried Dye Mix
- add 55  $\mu\text{L}$  sterile ddH<sub>2</sub>O to the freeze-dried Control-DNA
- after 15 minutes mix well

**Before every use thoroughly mix all PCR-components and centrifuge briefly.**

PCR-reaction Setup:

PCR-Components	volume ( $\mu\text{L}$ )
Premix	13.5
Dye Mix	1.5
Sample-DNA	5.0*
Total volume	<b>20.0</b>

\* If you use the Simplex Easy DNA- or QuicKGEN Yeast Sample Preparation Kit: add 2.5  $\mu\text{L}$  DNA and 2.5  $\mu\text{L}$  sterile ddH<sub>2</sub>O

1. Prepare a mastermix by mixing Premix and Dye Mix
2. Multiply said volumes with the number of PCR preparations including controls (positive control, negative control, extraction control), taking into account pipette reserves of approximately 5-10 %.
3. Divide 15  $\mu\text{L}$  of the PCR-mastermix among the individual reaction vessels, making sure that, prior to the first filling, the tip of the pipette has been moistened.
4. Add 5  $\mu\text{L}$  sample DNA, add 5  $\mu\text{L}$  of the Control-DNA for the PCR positive control, add 5  $\mu\text{L}$  of the extraction control and 5  $\mu\text{L}$  of ddH<sub>2</sub>O for the negative control\* reaction. Use a fresh tip with each DNA filling.
5. Close the tubes immediately and centrifuge them shortly.
6. Place the tubes in the PCR-machine and start run.

**Very important: \* Please fill up the negative control with 5  $\mu\text{L}$  ddH<sub>2</sub>O to avoid unspecific amplification.**

**Work swiftly to avoid warming up and keep away from light.**

## 7.2 PCR-Program:

### 7.2.1 PCR-Program LC480

1. Click the button **tool** on the right side in the window **LightCycler 480 Software release 1.5.0. SP1**
2. Click the button **Detection formats** at the left side of the menu bar
3. Click **New** in the window **Detection formats** and name the experiment
4. Open the window **Filter Combination Selection** and choose the following filter combinations: 465-510 / 533-580 / 533-610 / 618-660.
5. Open the window **Selected Filter Combination** list and add the following amounts

Excitation Filter	Emission Filter	Name	Melt factor	Quant fact	Max. Integ. Time
465	510	465-510 Fam	1	10	2
533	580	533-580 Hex	1	10	2
533	610	533-610 610	1	10	2
618	660	618-660 660	1	10	2

6. **Close** the window
7. Click the button **New Experiment** on the right side of the menu bar
8. From the pull-down menu **Detection formats** choose the defined experiment, click the button **Customize** and check the detection formats. All of them have to be activated
9. Click the button **ok**
10. Define the following program:

1. Program Name: **Heat**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
37	None	00:15:00	4.40		0	0	0
95	None	00:15:00	4.40		0	0	0

2. Program Name: **Ampli**

Cycles **30\*- 35** Analysis Mode **Quantification**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
95	None	00:00:10	4.40		0	0	0
60	Single	00:00:20	2.20		0	0	0

\* for preenriched samples program 30 cycles

3. Program name : **Cool**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
40	None	00:00:20	2.20		0	0	0

**Optional:** Saving the program as **run template**. The template button allows to select and apply a template to the currently open object and to save the currently open object as a template. Click the clamp beside the button **Apply Template**. Click **Save as template** and save the file in **templates**.

11. Click the button **Subset editor** on the left side
12. Click the button **+** and **New Subset 1** appears
13. Mark the wells in the **New Subset 1 Settings** window
14. Click the button **Apply**
15. Click the button **Sample editor** on the left side
16. **Very important:** Activate In the window **Step 1 Select Workflow: Abs.Quant**
17. Choose the subset **New Subset** in the window **Step 2 Select Samples**
18. Define your probes in the **Sample table**
19. Switch to the button **Experiment** and start the run with the button **start run**



## 7.2.2 PCR program for other real-time machines

The Premix contains no ROX. This must be considered according to the settings of the real-time machine. **ABI 7500:** Under “Assign Targets and Samples” in ‘Select the dye to use as the passive reference’ choose „none“.

**Mx3500P:** Under Instruments in ‘Filter Set Gain Settings’ change the Filter set gain multiplier to CY5 x1, ROX x1, HEX x4 und FAM x8.

For the use of UNG the thermal cycler program has to be changed according to manufacturers instructions.

Step	Time	Temp.	
Lyticase treatment	15 min	37 °C	
Initial denaturation of DNA	15 min	95 °C	
Denaturation	10 sec	95 °C	Cycle 30 <sup>1</sup> - 35 x
Annealing/ Elongation	20 – 30 sec <sup>2</sup>	60 °C	

<sup>1</sup> for preenriched samples program 30 cycles

<sup>2</sup> please program 20 sec, if the real-time-PCR machine allows it

## 8. Evaluation

The evaluation has to be made according to the data analysis programme recommended by the real-time instrument manufacturer.

For LC480: For analysis activate Colour Compensation

***Lactobacillus/ Pediococcus*-DNA:** FAM-channel (LC480: 465-510 nm)

***Megasphaera/ Pectinatus*-DNA:** ROX-channel (LC480: 533-610 nm)

**Yeast-DNA:** HEX-channel (LC480: 533-580 nm)

**Inhibition Control-DNA:** CY5-channel (LC480: 618-660 nm)

A sample is ***Lactobacillus/ Pediococcus* positive**, if there is a detectable fluorescence increase in the **FAM-channel (465-510 nm)** and the negative controls show no amplification. The positive controls should have a positive fluorescence signal. The Inhibition Control in the CY5-channel (618-660 nm) may be positive or negative (depending on the amount of DNA or inhibitors in the sample reaction). In the negative controls it has to be positive.

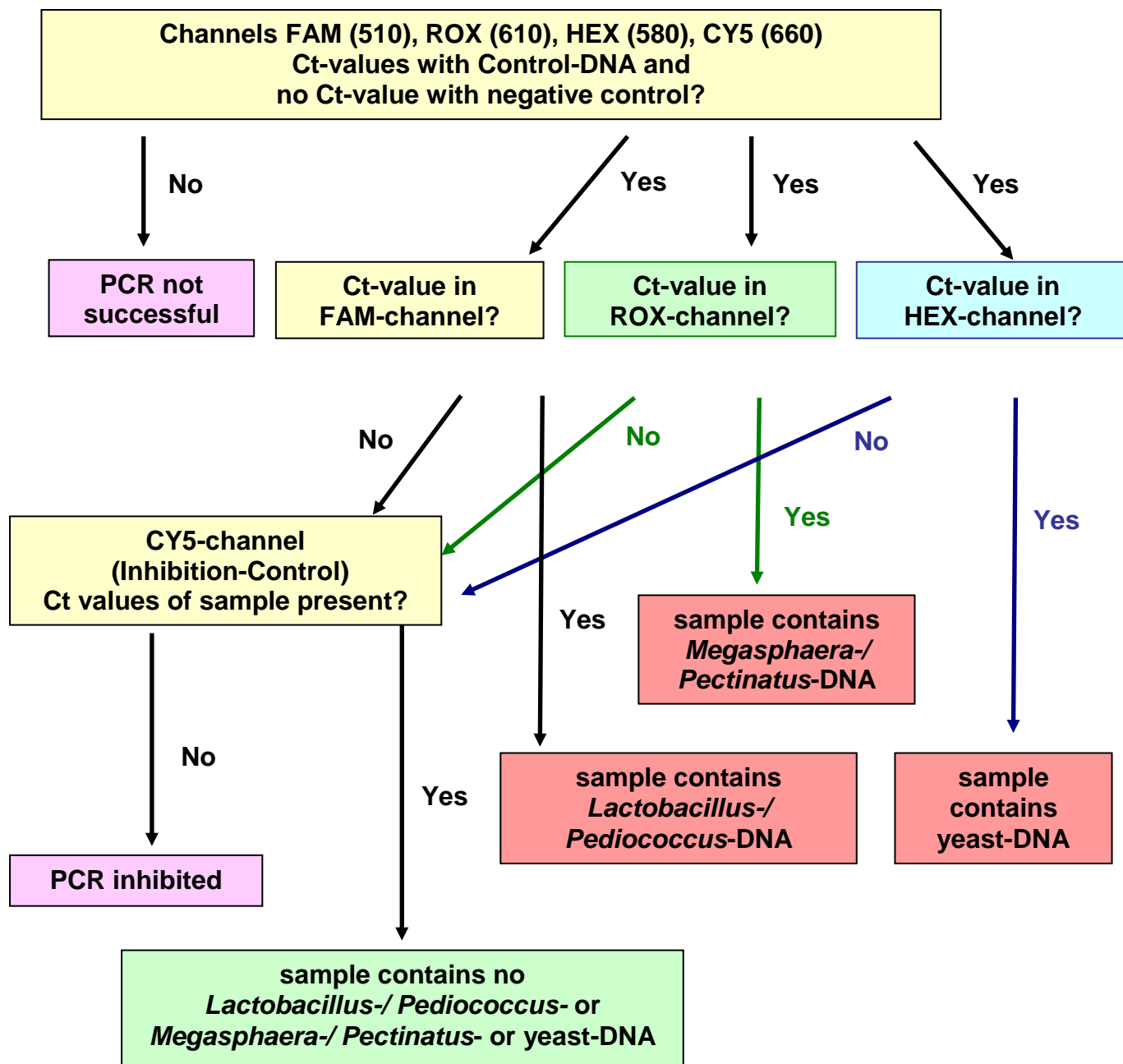
A sample is ***Megasphaera/ Pectinatus* positive**, if there is a detectable fluorescence increase in the **ROX-channel (533-610 nm)** and the negative controls show no amplification. The positive controls should have a positive fluorescence signal. The Inhibition Control in the CY5-channel (618-660 nm) may be positive or negative (depending on the amount of DNA or inhibitors in the sample reaction). In the negative controls it has to be positive.

A sample is **yeast positive**, if there is a detectable fluorescence increase in the **HEX-channel (533-580 nm)** and the negative controls show no amplification. The positive controls should have a positive fluorescence signal. The Inhibition Control in the CY5-channel (618-660 nm) may be positive or negative (depending on the amount of DNA or inhibitors in the sample reaction). In the negative controls it has to be positive.

A sample is **negative**, if there is no detectable fluorescence increase in the different channels and the positive controls have a positive fluorescence signal. The negative controls show no amplification. The Inhibition Control in the CY5-channel (618-660 nm) has to be positive in the sample and in the negative controls, a false negative result due to inhibitory effects is then excluded.

# analysis flowchart

## LC480: analysis after activating Colour Compensation



**Note:**

The polymerase-chain reaction (PCR) is protected by patents and requires a licence from Hoffmann-LaRoche Inc..

The provided product does not authorise the purchaser for the commercial use of this method.

GEN-IAL makes no warranty of any kind, either expressed or implied, except that the materials from which its products are made are of standard quality. If any materials are defective, GEN-IAL will provide a replacement product. There is no warranty of merchantability of this product, or of the fitness of the product for any purpose. GEN-IAL shall not be liable for any damages, including special or consequential damage, or expense arising directly or indirectly from the use of this product.